

2025년 11월 감염병 매개 진드기 감시 현황

① 사업 개요

1. 사업목적 : SFTS 환자 발생 고위험 지역 조기 예측 및 진드기 종별·발생단계별 밀도 조사를 통한 매개체와 환자 발생 간 상관관계 분석 기초자료 마련

1. 감시기간 : 2025. 4. ~ 2025. 11.

2. 감시지역 : 경주, 영천(초지, 무덤, 잡목림, 산길)

3. 채집방법 : Dry ice bait trap을 이용한 참진드기 채집

4. 사업내용 : 채집한 참진드기 분류·동정 및 병원체 9종* 유전자 검출 검사

* 중증열성혈소판감소증후군(SFTS)바이러스, 진드기매개뇌염(TBE)바이러스, 콕시엘라 버네티, 보렐리아속, 아나플라스마속, 에르리키아속, 리케치아속, 바토넬라속, 프란시셀라속

② 검사 방법 및 결과

1. 참진드기 분류·동정

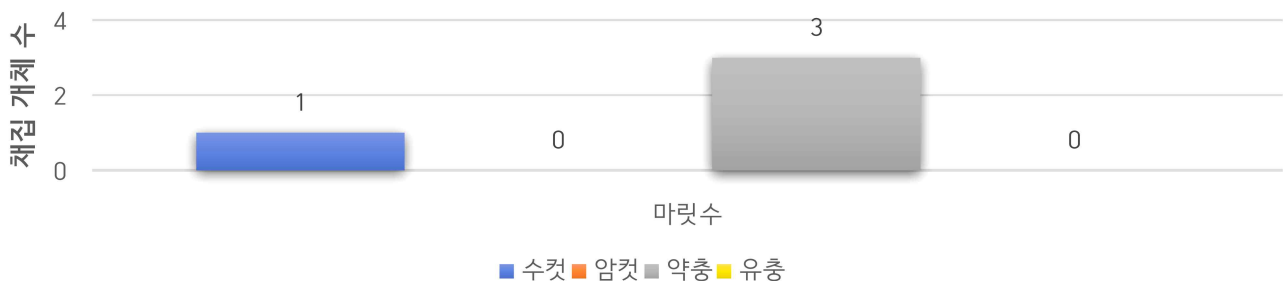
○ 분류 방법 : 실체현미경을 이용하여 종 동정 및 발생단계 구분

○ 채집 현황

(단위: 마리)

종	작은소피참진드기 (<i>Haemaphysalis longicornis</i>)	개피참진드기 (<i>Haemaphysalis flava</i>)	몽뚝참진드기 (<i>Amblyomma testudinarium</i>)	일본참진드기 (<i>Ixodes nipponensis</i>)	기타 (참진드기 유충)	계
총 채집 개체 수	1	3	0	0	0	4
영천	0	0	0	0	0	0
경주	1	3	0	0	0	4

성장단계별 참진드기 채집 개체 수



2. 진드기 내 병원체 유전자 검출 검사

○ 검사 방법

1) 채집한 참진드기를 지역별·종별·발생단계별로 취합(pooling)*

* 취합(Pooling): 성충 1~5마리/pool, 약충 1~30마리/pool, 유충 1~50마리/pool

2) 조직 파쇄 및 핵산 추출

3) 실시간중합효소연쇄반응으로 진드기 내 병원체 유전자 확인

○ 검사 결과

병원체	SFTSV	TBEV	<i>Coxiella burnetii</i>	<i>Borrelia</i> spp.	<i>Anaplasma</i> spp.	<i>Ehrlichia</i> spp.	<i>Rickettsia</i> spp.	<i>Bartonella</i> spp.	<i>Francisella tularensis</i>	계
검출 pool 수	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
최소 감염률 ^a (%)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	-

^a 최소감염률(%): 총 채집 개체 수(95마리) 중 검출된 pool 수의 비율